

DESARROLLO DE UN MAPA GENÉTICO CON MARCADORES SSRs Y AFLPs EN AGUACATE

M.A. Viruel¹, E. Gross² y A. Barceló-Muñoz²

¹E.E. La Mayora-CSIC. 29750 Algarrobo-costa, Málaga, España.

Correo electrónico marian.viruel@eelm.csic.es.

²IFAPA Centro de Churriana. Junta de Andalucía. Finca Cortijo de la Cruz s/n. 29140 Churriana, Málaga, España.

Los mapas de ligamiento son excelentes herramientas en estudios genéticos y en mejora de plantas. El análisis de cosegregación de un elevado número de marcadores moleculares y caracteres de interés permite profundizar en el control genético de los caracteres y en la identificación de marcadores útiles en su selección precoz. En aguacate, a diferencia de otras especies tropicales, se han llevado a cabo estudios a nivel molecular que han generado diferentes tipos de marcadores moleculares y un primer mapa genético parcial. Teniendo en cuenta la información disponible, se ha desarrollado un mapa genético más completo que incluye, además de los SSRs publicados, otros de nuevo desarrollo, así como marcadores AFLPs. Este mapa se utilizará en la búsqueda de marcadores ligados a tolerancia a la podredumbre blanca, causada por el hongo *Rosellinia necatrix*. La podredumbre blanca supone un problema grave en la zona productora de aguacate del litoral español, por lo que, en los últimos años, se han concentrado esfuerzos en la búsqueda y selección de portainjertos tolerantes. Debido a la dificultad en la obtención de cruzamientos dirigidos, la población base ha sido una población de medios hermanos obtenida a partir de un genotipo autóctono, buen transmisor de tolerancia. Siguiendo la estrategia de “pseudotestcross” se han representado los 12 cromosomas de aguacate. Se discute la estrategia de cartografiado empleada y el mapa resultante en el contexto del programa de selección.