

CARACTERIZACIÓN MOLECULAR Y ANÁLISIS DE LA DIVERSIDAD GENÉTICA EN 75 ACCESIONES DE AGUACATE EMPLEANDO SSRs

M. Librada Alcaraz y J.I. Hormaza

Estación Experimental la Mayora – CSIC. 29750 Algarrobo-Costa, Málaga, España.

En este trabajo se han caracterizado 75 accesiones de aguacate conservadas en la colección de germoplasma de la E.E. la Mayora (España) con 16 microsatélites. Esta colección incluye genotipos locales españoles y genotipos obtenidos mediante intercambio con diferentes países productores. Se detectaron 156 fragmentos de amplificación oscilando entre 4 y 16 por locus con un valor medio de 9.75 alelos por locus. Todos los microsatélites resultaron ser altamente informativos con una heterocigosidad esperada mayor de 0.5 y una probabilidad de identidad inferior a 0.36. La probabilidad de identidad total fue de 2.85×10^{-14} . Quince de los 16 loci estudiados presentaron un índice de fijación de Wrigh (F) positivo, lo que indica un déficit de heterocigotos, siendo la media para todos los loci de 0.16. Se construyó un dendrograma mediante UPGMA (Unweighted Pair Group Method with Arithmetic Averages) basado en el índice de similitud de Nei y Li. Este dendrograma clasifica a los genotipos analizados en 3 grupos principalmente en base a su origen racial, aunque con un bajo índice bootstrap debido a que la mayoría de las accesiones de la colección son híbridos. Los cultivares locales parecen ser de raza mexicana o híbridos mexicano por guatemalteca. Todos los genotipos estudiados pueden ser inequívocamente distinguidos con la combinación de SSRs empleados excepto algunas posibles mutaciones de 'Hass' y un grupo adicional de dos cultivares. Los resultados obtenidos se discuten en base a sus implicaciones para la caracterización y manejo de la colección de germoplasma de aguacate.